

FICHE DE POSTE – INGENIEUR BIOINFORMATICIEN

Fonctions :

Intégré au sein de la plate-forme bioinformatique de l'Université Paris Descartes, il sera chargé de :

- Développer les chaînes de stockage et d'analyse des données générées par les techniques de séquençage de nouvelle génération (DNA-Seq, RNA-Seq, ChIP-Seq...),
- Supporter les équipes de recherche par la mise en place des outils bioinformatiques et des bases de données nécessaires à leurs projets de recherche,
- Participer à l'encadrement du personnel en collaboration avec le responsable de la plate-forme.

Activités essentielles :

- Analyser des problèmes relevant de la bioinformatique et pouvant couvrir des aspects biostatistiques,
- Définir et choisir, en concertation avec ses interlocuteurs, la stratégie et les méthodes d'analyse à mettre en œuvre,
- Organiser et réaliser avec son équipe, la mise en place de l'infrastructure matérielle et logicielle nécessaire, l'analyse, l'interprétation et la présentation des résultats des analyses,
- Assister et conseiller les utilisateurs pour la planification de nouveaux projets,
- Participer à la diffusion des connaissances et des nouveaux outils bioinformatiques utiles à la communauté de l'Université.

Compétences et qualités :

Connaissances

- Outils d'analyse bioinformatique,
- Systèmes de gestion de bases de données,
- Maîtrise de la programmation objet et des technologies web,
- Connaissances en biologie moléculaire,
- Maîtrise de l'anglais technique écrit et oral du domaine.

Savoir-faire

- Constitution de banques locales de biologie moléculaire et de leurs annotations,
- Intégration des données issues des techniques de séquençage de nouvelle génération (DNA-Seq, RNA-Seq, ChIP-Seq...),
- Création d'interfaces utilisateur pour l'exploration et l'interprétation des résultats.

Aptitudes

- Rigueur et organisation,
- Travail et animation d'une équipe,
- Travail en interaction avec les biologistes.

Environnement et contexte professionnel :

Le service commun de bioinformatique a été créé en 2007 pour accompagner les centres et instituts de recherche de l'Université (CPN, CR Cordeliers, IMTCE, IHU *Imagine*, Institut Cochin, IRNEM, PARCC) dans l'exploitation et l'interprétation des données issues des technologies de biologie moléculaire à haut débit. L'ingénieur de recherche sera en charge plus spécifiquement du développement des chaînes d'analyse et d'aide à

l'interprétation des données générées par les plateformes de séquençage de nouvelle génération (DNA-Seq, RNA-Seq, CHIP-Seq...).

Formation demandée :

Doctorat ou diplôme équivalent (école d'ingénieur).

Modalités de recrutement :

Le dossier de candidature, comprenant une lettre de motivation et un curriculum vitae détaillé, est à adresser jusqu'au 31 octobre 2011, sous la référence Imagine-05, à recrutement@fondationimagine.org

Les candidats présélectionnés sur dossier seront invités à présenter leur candidature devant un jury de recrutement.